

CADERNO DE QUESTÕES



HOSPITAL DE
CLÍNICAS
PORTO ALEGRE RS

MISSÃO INSTITUCIONAL

Prestar assistência de excelência e referência com responsabilidade social, formar recursos humanos e gerar conhecimentos, atuando decisivamente na transformação de realidades e no desenvolvimento pleno da cidadania.

EDITAL N.º 03/2014 DE PROCESSOS SELETIVOS

PS 64 - BIÓLOGO I, BIOMÉDICO I ou FARMACÊUTICO I (Genética Médica: Biologia Molecular)

Nome do Candidato: _____

Inscrição n.º: _____



INSTRUÇÕES

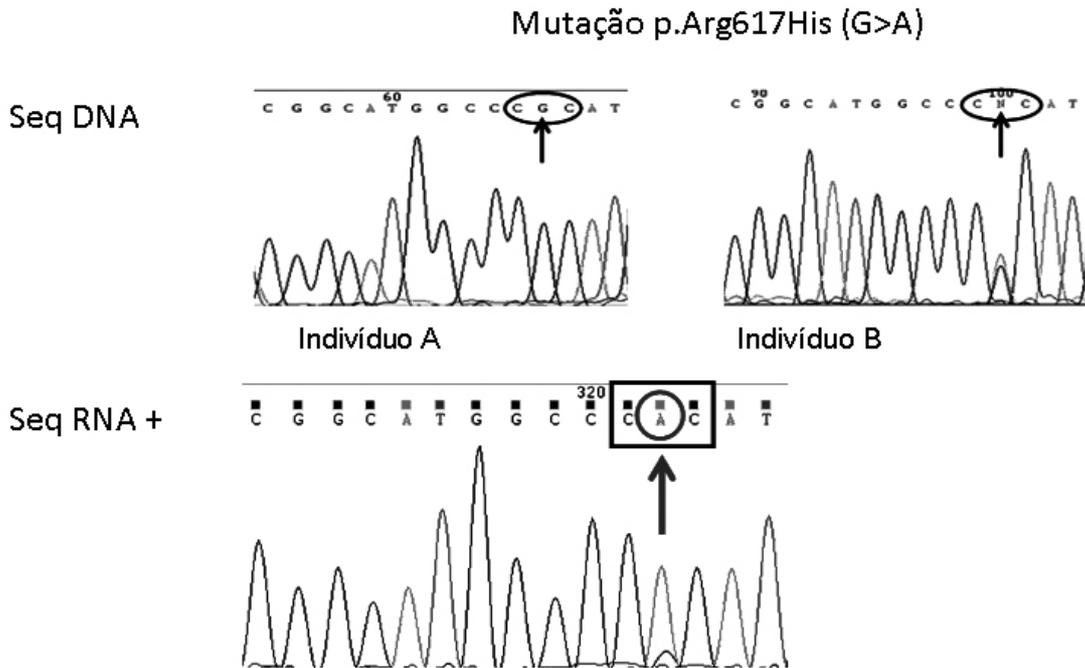


HOSPITAL DE
CLÍNICAS
PORTO ALEGRE RS

- 1 Verifique se este CADERNO DE QUESTÕES corresponde ao Processo Seletivo para o qual você está inscrito. Caso não corresponda, solicite ao Fiscal da sala que o substitua.
- 2 Esta PROVA consta de **25** (vinte e cinco) questões objetivas.
- 3 Caso o CADERNO DE QUESTÕES esteja incompleto ou apresente qualquer defeito, solicite ao Fiscal da sala que o substitua.
- 4 Para cada questão objetiva, existe apenas **uma** (1) alternativa correta, a qual deverá ser assinalada na FOLHA DE RESPOSTAS.
- 5 Os candidatos que comparecerem para realizar a prova **não deverão** portar armas, malas, livros, máquinas calculadoras, fones de ouvido, gravadores, *paggers*, *notebooks*, **telefones celulares**, *pen drives* ou quaisquer aparelhos eletrônicos similares, nem utilizar véus, bonés, chapéus, gorros, mantas, lenços, aparelhos auriculares, próteses auditivas, óculos escuros, ou qualquer outro adereço que lhes cubra a cabeça, o pescoço, os olhos, os ouvidos ou parte do rosto. **Os relógios de pulso serão permitidos, desde que permaneçam sobre a mesa, à vista dos fiscais, até a conclusão da prova.** (conforme subitem 7.10 do Edital de Abertura)
- 6 O candidato deverá responder a Prova Escrita, utilizando-se, preferencialmente, de caneta esferográfica de tinta azul. Não será permitido o uso de lápis, marca textos, lapiseira/grafite e/ou borracha durante a realização da prova.
- 7 Preencha com cuidado a FOLHA DE RESPOSTAS, evitando rasuras. Eventuais marcas feitas nessa FOLHA, a partir do número **26**, serão desconsideradas.
- 8 Ao terminar a prova, entregue a FOLHA DE RESPOSTAS ao Fiscal da sala.
- 9 A duração da prova é de **três horas (3h)**, já incluído o tempo destinado ao preenchimento da FOLHA DE RESPOSTAS. Ao final desse prazo, a FOLHA DE RESPOSTAS será **imediatamente** recolhida.
- 10 O candidato somente poderá se retirar da sala de prova uma hora (1h) após o seu início. Se quiser levar o Caderno de Questões da Prova Escrita Objetiva, o candidato somente poderá se retirar da sala de prova uma hora e meia (1h30min) após o início. O Candidato não poderá anotar/copiar o gabarito de suas respostas de prova.
- 11 Após concluir a prova e se retirar da sala de prova, o candidato somente poderá se utilizar de sanitários nas dependências do local de prova, se for autorizado pela Coordenação do Prédio e estiver acompanhado de um fiscal. (conforme subitem 7.15.6 do Edital de Abertura)
- 12 A desobediência a qualquer uma das recomendações constantes nas presentes instruções poderá implicar a anulação da prova do candidato.

Boa prova!

01. Os DNAs de dois indivíduos (A e B) foram submetidos a sequenciamento e os resultados estão apresentados na porção superior da figura abaixo. A região da variação de seqüência foi clonada, tendo sido obtidos os resultados situados na parte inferior da figura.



Com base nas informações acima, marque a resposta correta.

- (A) Os resultados permitem definir o tipo de herança da doença.
- (B) O indivíduo A é uma mulher homocigota para uma condição autossômica recessiva.
- (C) O alelo mutante está sendo expresso no material analisado.
- (D) Os indivíduos são diferentes, pois um deles apresenta um polimorfismo de base única.
- (E) A análise do Seq RNA *forward* (+) corresponde ao indivíduo A.

02. Considerando que os testes preditivos incluem exames pré-sintomáticos para as condições monogênicas, e os testes de suscetibilidade, para as condições multifatoriais, assinale a afirmação correta.

- (A) Testes pré-sintomáticos não são apropriados para doenças autossômicas recessivas, pois incluiriam o estudo de crianças e a interpretação complexa para heterocigotos.
- (B) Portadores de um determinado gene de suscetibilidade poderão não apresentar a doença em questão, enquanto não portadores desse gene poderão desenvolvê-la, como é o caso dos portadores do alelo APOE4, em relação à Doença de Alzheimer.
- (C) A penetrância incompleta de um alelo impossibilita o teste preditivo.
- (D) A existência de um tratamento para determinada doença de início tardio reclassifica, de pré-sintomáticos para testes diagnósticos, os exames do gene envolvido nessa doença.
- (E) Não se realizam testes preditivos para uma doença recessiva em indivíduos em risco se houver a possibilidade de revelar o status genético do genitor transmissor.

03. Regarding the affirmatives below about trinucleotide repeats, it is correct to say that:

- (A) trinucleotide repeats are very common in lower organisms genomes such as drosophila.
- (B) trinucleotide repeats are very stable and unlikely to expand when transmitted.
- (C) trinucleotide repeats can be present on the open reading frame (ORF) of transcription factors.
- (D) trinucleotide repeats are not related to any recessive disease.
- (E) trinucleotide repeats are usually related to *de novo* mutations.

04. Choose the correct statement regarding the human DNA sequence.

- (A) Although two randomly selected individuals have sequences that are 99.9% identical, given the number of individuals in our species, essentially 1 in each 1000 base pairs in the human genome is expected to vary amongst individuals.
- (B) Almost all human genetic variation is relatively significant biologically.
- (C) Insertions or deletions of copy number variation cannot be considered as polymorphisms.
- (D) There is far less variation in non-coding sequences, reflecting weak selective pressure against certain types of changes in DNA sequences.
- (E) The DNA variation found among monozygotic twins is present in 1:1000.000 base pairs.

05. The detection of a mutation in an affected individual, which is absent from his/her parents raises concerns on genetic counseling. Choose the correct answer regarding these concerns.

- (A) If a *de novo* mutation occurred in a somatic lineage, no concerns are related to inheritance in family members.
- (B) Paternity testing might not rule out a *de novo* mutation.
- (C) Previous mating partners could influence traits in offspring produced by subsequent males that mate with the same female.
- (D) Gonadal mosaicism cannot be taken into account in this situation.
- (E) This transgenerational effect might have potential implications for the evolution of reproductive strategies.

06. Na investigação molecular de uma criança, filha única de casal não consanguíneo, com diagnóstico de uma doença reconhecidamente de herança autossômica recessiva, foi realizado sequenciamento bidirecional de todos os éxons e regiões limites entre éxons-íntrons pelo método de Sanger do gene hipotético XYZ1. O resultado demonstrou a mutação p.R253X no éxon 4, em homozigose. Foi, então, realizado sequenciamento de Sanger das mesmas regiões descritas acima no DNA dos pais da criança, tendo sido observado que a mãe apresentava a mutação p.R253X em heterozigose e o pai apresentava resultado normal. Em relação a esse caso, considere as afirmações a seguir.

- I - O resultado da análise dos pais explica o modo de herança nessa família.
- II - O pai pode apresentar uma deleção do éxon 4, não detectada pelo método de sequenciamento de Sanger.
- III - A criança pode apresentar a doença de herança autossômica recessiva por dissomia uniparental materna.
- IV - O padrão de herança é ligado ao X, pois a mãe é carreadora da mutação.

Quais estão corretas?

- (A) Apenas II.
- (B) Apenas IV.
- (C) Apenas I e II.
- (D) Apenas II e III.
- (E) Apenas I, III e IV.

07. A Distrofia Muscular de Duchenne é causada por mutações no gene DMD, na região Xp21.1, sendo que 65% dos casos são resultado de grandes deleções no gene. Duplicações são responsáveis por 5-10% dos casos, e mutações de ponto, por 25-30% dos casos. Em relação aos métodos de escolha para identificar a maioria das mutações na Distrofia Muscular de Duchenne, assinale a alternativa **INCORRETA**.

- (A) PCR multiplex
- (B) PCR tempo real quantitativo
- (C) *Multiple Ligation-dependent Probe Amplification*
- (D) Hibridação *in situ* por fluorescência (FISH)
- (E) PCR - RFLP

08. No que se refere a conhecimentos teóricos de biologia molecular, assinale a alternativa **INCORRETA**.

- (A) O reagente dimetilsulfóxido (DMSO), usado na reação de PCR, tem a função de aumentar a atividade da enzima Taq Polimerase.
- (B) A temperatura de anelamento dos *primers* depende do número de nucleotídeos CG.
- (C) A razão de absorvância a 260nm e 280nm é usada para avaliar a pureza do DNA.
- (D) O sequenciamento de DNA determina a sequência de bases de uma das fitas da molécula.
- (E) No PCR em tempo real, usam-se sondas marcadas com corantes fluorescentes que permitem observar o produto da reação à medida que este está sendo formado.

09. Analise a sequência de DNA abaixo, em que as sequências sublinhadas representam os iniciadores (*primers*) utilizados para amplificar um fragmento específico de um gene hipotético do genoma humano.

```
TGGCATTTCGATAGGGAAAAGGCTTTTAATCTGTTGAAAATGGACAAGAAGCGT
GAAAAAAGGAAATGAACTATGTGTTGCTGGAAAAAGTAGGGAAGGGAGTGG
TGAAGAGTATTCCACTGGTTCAATTAGAAAAAATCATTCAAGCATTACCAAAG
TGAAAGTAACAATACAGCCCGGAGATCTGACTGGAATTATCCAGTCACCCGCT
TCAAAAAGTTCGATGCAGCGAGCTTGCAGATAACAAGTGAAGGCGTAAAACC
TGTCGCTCCTTTTATTGACTGCGGTGAATCTGGTTAAGTATCCGGATGTTTACT
CCGATTGTTGCGTTGAGTAAAGAAGAGGTGACGATCAAAGGA
```

Com base nessas informações assinale com **V** (verdadeiro) ou **F** (falso) as afirmativas abaixo.

- () Os *primers* indicados têm a seguinte sequência no sentido 5'-3':
Forward: TAGGGAAGGGAGTGGTGAAGAG
Reverse: CGTCTATTGTTCACTTCCGCA
- () Os *primers* indicados irão amplificar um fragmento de 125 pares de base (pb).
- () O conteúdo G/C do *primer forward* é de ~55% e do *primer reverse* é de ~47%.
- () Para verificar se a sequência de *primers* é indicada para realizar uma amplificação específica, utiliza-se o programa BLAST na busca de ausência de pareamento significativo com outros genes humanos.
- () Considerando que o pareamento ocorre em condição-padrão de 50 nM de concentração de *primers*, 50mM de concentração de sal (Na⁺) e pH próximo de 7,0, considerando apenas a composição dos *primers*, as temperaturas de *T_m* para os *primers forward* e *reverse* são de, aproximadamente, 68°C e 58°C, respectivamente.

A sequência correta de preenchimento dos parênteses, de cima para baixo, é

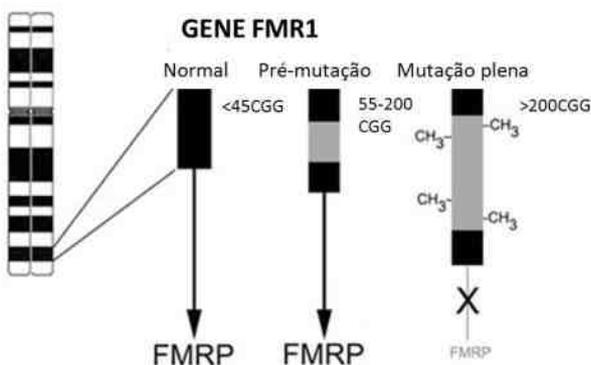
- (A) V – V – F – F – V.
- (B) V – V – F – F – F.
- (C) F – F – V – V – F.
- (D) F – F – V – V – V.
- (E) V – V – F – V – V.

10. Em relação à técnica de reação em cadeia da polimerase (PCR), é **INCORRETO** afirmar que

- (A) nos primeiros ciclos da PCR são formados dois tipos de fragmentos: um de comprimento variável, obtido a partir de um *primer* que tenha hibridizado com a fita de DNA original, e outro de comprimento determinado, que é obtido sempre que um DNA previamente copiado é empregado como molde em sua síntese.
- (B) os passos da PCR incluem ciclos repetitivos de desnaturação, anelamento dos *primers* e extensão do novo fragmento de DNA.
- (C) os fragmentos de comprimento definido aumentam de número exponencialmente, formando aos poucos um imenso número de fitas duplas de comprimento definido.
- (D) as fitas estendidas aumentam linearmente, duas a cada ciclo, por alvo.
- (E) os *primers* utilizados para a amplificação de fragmentos de DNA por PCR podem ser complementares e formar estruturas secundárias.

11. A Síndrome do X Frágil é causada por expansão de trinucleotídeos CGG em uma ilha CpG, localizada a 5' do gene FMR1, na região Xq27.3.

Observe a figura abaixo, que representa a consequência na proteína FMRP das repetições CGG, e marque a alternativa correta.



- (A) Mulheres heterozigotas com pré-mutação apresentam um número de repetições CGG maior que 200.
- (B) Devido ao processo de metilação que ocorre nas ilhas CpG, uma expansão do trinucleotídeo maior que 200 repetições pode determinar o silenciamento da transcrição do gene FMR1.
- (C) O diagnóstico de Síndrome do X Frágil depende do número de repetições CGG e do gênero do indivíduo, pois homens requerem menos repetições que mulheres.
- (D) homens com pré-mutação não apresentam expressão da proteína FMRP.
- (E) filhas de homens com pré-mutação apresentam risco de 50% de herdar essa pré-mutação.

12. Com os avanços das técnicas de Biologia Molecular e do conhecimento do genoma humano, é possível estabelecer diagnóstico molecular para um grande número de doenças gênicas, o que tem contribuído para a maior compreensão das doenças genéticas. Em relação às aplicações clínicas do diagnóstico da base molecular de uma doença gênica, qual das afirmativas está **INCORRETA**?

- (A) Contribuem para o diagnóstico pré-natal de um afetado nas gestações dos casais em risco.
- (B) Possibilitam o diagnóstico pré-implantacional de embriões afetados, prevenindo a gestação de um bebê afetado.
- (C) Permitem a identificação de portadores na família.
- (D) Colaboram para o estabelecimento do prognóstico de algumas doenças.
- (E) São indispensáveis para o estabelecimento do padrão de herança e risco de recorrência nas famílias.

13. João apresenta hemofilia A, e já houve vários casos em sua família. Ao se estudar o gene do fator VIII, identificou-se uma mutação patogênica na família. Seu filho Antônio busca aconselhamento genético porque, como vai casar, está preocupado com sua futura prole.

No que se refere ao caso acima, assinale a alternativa correta.

- (A) É recomendada a investigação de portador para Antônio, uma vez que a mutação já é conhecida na família.
- (B) É indicada a investigação da esposa de Antônio, através do sequenciamento do fator VIII, para investigar se ela também é heterozigota.
- (C) No caso de uma futura gestação, são indicados a determinação do sexo fetal e o diagnóstico pré-natal da mutação conhecida na família.
- (D) O risco de ter um filho afetado é semelhante ao risco conhecido para a população em geral.
- (E) Fertilização assistida e diagnóstico pré-implantacional para a seleção de embriões sem a doença podem ser indicados para Antônio e sua futura esposa.

14. Um bebê, filho de um casal consanguíneo (primos em terceiro grau), apresentou teste do pezinho alterado, com aumento da tripsina imunorreativa (IRT), o que é sugestivo de fibrose cística. Foi realizada investigação molecular com um painel para 6 mutações frequentes no gene CFTR, que evidenciou a presença da mutação p.F508del em um dos alelos.

No que se refere ao caso acima, assinale a afirmativa **INCORRETA**.

- (A) Esse resultado pode ser compatível com um bebê saudável, já que os pais são consanguíneos e ele é apenas heterozigoto para mutação p.F508del.
- (B) Pode-se indicar o sequenciamento do gene CFTR para identificação de outra mutação patogênica.
- (C) Esse resultado é compatível com o diagnóstico de fibrose cística.
- (D) A dosagem de eletrólitos no suor é indicada como complementação da análise laboratorial.
- (E) A mutação p.F508del, no gene CFTR, é bastante frequente na população em geral, sendo essa informação insuficiente para estabelecer um diagnóstico.

15. No que se refere ao uso das técnicas de biologia molecular em diversas situações clínicas, observe as afirmações abaixo.

- I - Para o oferecimento de diagnóstico pré-natal através de estudo molecular de uma doença rara, é indispensável o conhecimento prévio da(s) mutação(ões) em risco na família.
- II - Para o estabelecimento de um protocolo para diagnóstico genético pré-implantacional para uma doença recessiva, basta conhecer uma das mutações em risco.
- III- Após o diagnóstico de um menino com adrenoleucodistrofia ligada ao X e confirmação molecular da mutação patogênica, deve-se imediatamente testar todas as meninas da família em risco, para aconselhamento genético.
- IV- O sequenciamento normal de um gene relacionado a uma doença genética permite excluir o diagnóstico daquela doença no indivíduo testado.

Quais estão corretas?

- (A) Apenas I.
- (B) Apenas III.
- (C) Apenas I e III.
- (D) Apenas II e IV.
- (E) Apenas III e IV.

16. Novel mutations can be found in different genes and they can be responsible for inherited disorders. When someone finds a previous unpublished sequence alteration, *in silico* analyses can be useful to predict possible impact of an amino acid substitution on the structure and function of a human protein using straightforward physical and comparative considerations. Tools listed below are commonly used in bioinformatics analyses.

- I - PolyPhen
- II - Sequence Scanner
- III- SNPs3D
- IV - SIFT

Which ones define tools that can be used to predict the impact of an amino acid substitution within a protein sequence?

- (A) I, II and III only.
- (B) I, II and IV only.
- (C) I, III and IV only.
- (D) II, III and IV only.
- (E) I, II, III and IV.

17. Análise de expressão proteica pode ser realizada em vários níveis, desde a análise com metodologias básicas até o uso de métodos mais elaborados. Considere as metodologias abaixo.

- I - Proteômica
- II - Hibridização tecidual *in situ*
- III- PCR quantitativo
- IV - PCR com transcrição reversa
- V - *Imunoblotting*

Quais podem ser utilizadas para a análise de expressão proteica?

- (A) Apenas I e II.
- (B) Apenas II e III.
- (C) Apenas I, III e IV.
- (D) Apenas II, III e V.
- (E) I, II, III, IV e V.

18. No que se refere às bases da biologia molecular, assinale as afirmativas abaixo com **V** (verdadeiro) ou **F** (falso).

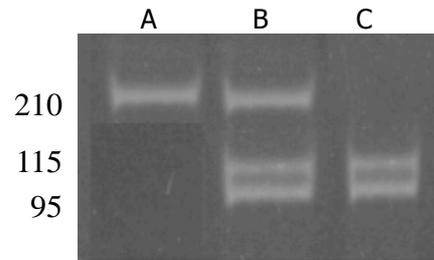
- () O DNA é replicado por enzimas denominadas DNA polimerases.
- () A transcrição em organismos eucariotos ocorre no citoplasma da célula.
- () O óxido nítrico (HNO_2) é um reagente que promove desaminação oxidativa em bases nucleotídicas.
- () O código genético padrão inclui um códon de iniciação e dois códons de terminação.
- () Clivagem proteolítica por peptidases específicas é uma das formas de modificação pós-traducional das proteínas.

A sequência correta de preenchimento dos parênteses, de cima para baixo, é

- (A) F – V – F – V – F.
- (B) F – V – V – F – V.
- (C) V – F – V – F – V.
- (D) F – F – V – V – F.
- (E) V – V – F – F – V.

19. Considere o enunciado e a figura abaixo.

O gel representado abaixo mostra o resultado da digestão de um produto de PCR com enzima de restrição (PCR-RFLP) para uma mutação que abole um sítio de restrição para essa enzima. Os números à esquerda da figura identificam _____ dos fragmentos obtidos em _____. Nas colunas de A a C podem ser identificados 3 _____ diferentes, respectivamente: _____, heterozigoto e _____ para a mutação testada.



Assinale a alternativa que preenche, correta e respectivamente, as lacunas do texto acima.

- (A) a concentração – nanomoles (nm) – genótipos – homozigoto mutado – homozigoto normal
- (B) o tamanho – nanomoles (nm) – fenótipos – homozigoto mutado – homozigoto normal
- (C) o tamanho – pares de base (pb) – genótipos – homozigoto mutado – homozigoto normal
- (D) o tamanho – pares de base (pb) – fenótipos – homozigoto normal – homozigoto mutado
- (E) a concentração – nanomoles (nm) – genótipos – homozigoto normal – homozigoto mutado

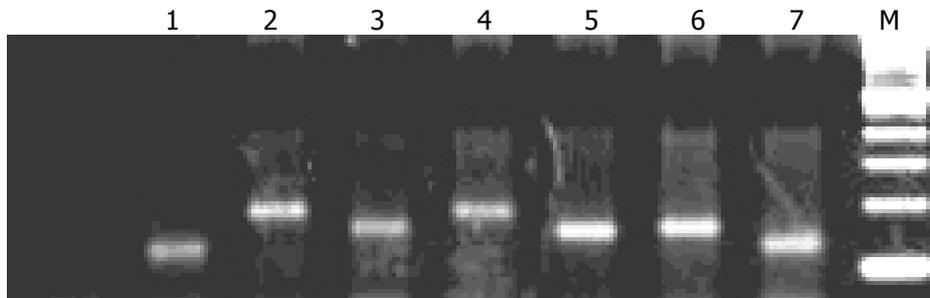
20. Um laboratório de genética molecular passará por auditoria em função do processo de Acreditação ao qual será submetido. Considere os itens abaixo.

- I - Disponibilização do mapa de uso de Equipamentos de Proteção Individual (EPIs).
- II - Uso de jaleco conforme a NR-32, no que diz respeito ao risco biológico identificado no mapa de risco de Serviço/Unidade.
- III- Indicação de onde podem ser encontradas e consultadas as Fichas de Informações de Segurança de Produtos Químicos (FISPIQs).
- IV - Procedimentos Operacionais Padrões (POPs) atualizados de todas as técnicas laboratoriais realizadas.
- V - Demonstração do processo de lavagem de mãos, informando quais os momentos em que esse procedimento deve ser realizado.

Quais deles deverão ser verificados em uma auditoria de um laboratório de genética molecular?

- (A) Apenas I, II e IV.
- (B) Apenas I, II e V.
- (C) Apenas I, III e V.
- (D) Apenas II, IV e V.
- (E) I, II, III, IV e V.

21. A figura abaixo representa o resultado da eletroforese em gel de agarose de fragmentos de DNA de 7 indivíduos amplificados por PCR (utilizando o mesmo par de *primers*) e um marcador de peso molecular "M".



Com base na figura, assinale a alternativa correta.

- (A) Os tamanhos dos fragmentos observados podem representar uma região genômica que apresenta uma repetição de trinucleotídeos, cujo número de repetições pode variar em cada indivíduo.
- (B) Os tamanhos dos fragmentos observados indicam uma reação de PCR não específica; para solucionar esse problema deve-se aumentar a temperatura de anelamento da PCR.
- (C) Os tamanhos dos fragmentos observados indicam uma reação de PCR não específica; para solucionar esse problema deve-se desenhar outros pares de *primers*.
- (D) Os tamanhos dos fragmentos observados indicam que o tempo de corrida da eletroforese foi longo demais, fazendo com que as bandas assumissem uma conformação tridimensional diferente em cada indivíduo.
- (E) Os tamanhos dos fragmentos observados no marcador de peso molecular indicam que os fragmentos maiores estão na parte de baixo do gel e que os fragmentos menores estão na parte de cima do gel.

22. Indique qual, dentre as opções abaixo, **NÃO** pode ser utilizada como aplicação do sequenciamento de nova geração (NGS).

- (A) Análise de microbioma utilizando *primers* para o gene 16S.
- (B) Sequenciamento simultâneo de painéis de genes relacionados.
- (C) Análise de transcriptoma utilizando RNA-seq.
- (D) Montagem de genomas completos.
- (E) Hibridização genômica comparativa.

23. Considere as metodologias de análise de ácidos nucleicos abaixo.

- I - Sequenciamento de DNA de Sanger.
- II - MLPA.
- III- Transcrição reversa e PCR.
- IV- Sequenciamento de última geração.

Quais podem identificar a mutação 1120_1121insGACT em heterozigose em um gene "X" humano?

- (A) Apenas I e III.
- (B) Apenas I e IV.
- (C) Apenas II e III.
- (D) Apenas I, II e III.
- (E) Apenas I, II e IV.

24. Assinale a afirmação **INCORRETA** acerca das características essenciais do material hereditário (DNA).

- (A) Deve ser copiado de forma fidedigna para manter as características da célula.
- (B) Pode estar sujeito a sistemas de reparo para corrigir erros de sequências de nucleotídeos.
- (C) Está contido apenas no interior do núcleo.
- (D) É formado por nucleotídeos.
- (E) É usado como molde para formar RNA mensageiro no processo de transcrição.

25. Com relação aos princípios éticos na Genética Médica, é **INCORRETO** afirmar que

- (A) os exames de rastreamento e testagem genética devem ser voluntários, exceto os de triagem neonatal para doenças nas quais o tratamento precoce beneficia o recém-nascido.
- (B) o aconselhamento genético deve ser diretivo para evitar que o paciente tome decisões que possam trazer prejuízo para si ou para sua família.
- (C) a confidencialidade das informações genéticas deve ser mantida, exceto para evitar um sério dano aos membros da família em risco genético.
- (D) a privacidade da informação genética de um indivíduo deve ser sempre protegida de empregadores, seguradoras, escolas, entidades comerciais e órgãos governamentais.
- (E) os exames invasivos para diagnóstico pré-natal devem ser oferecidos somente para doenças fetais relevantes.

HOSPITAL DE CLÍNICAS DE PORTO ALEGRE

EDITAL N.º 03/2014 DE PROCESSOS SELETIVOS

GABARITO APÓS RECURSOS

PROCESSO SELETIVO 64

BIÓLOGO I, BIOMÉDICO I ou FARMACÊUTICO I (Genética Médica: Biologia Molecular)

01.	C	11.	B	21.	A
02.	B	12.	E	22.	E
03.	C	13.	D	23.	B
04.	A	14.	C	24.	C
05.	A	15.	A	25.	B
06.	D	16.	C		
07.	E	17.	E		
08.	A	18.	C		
09.	C	19.	C		
10.	ANULADA	20.	E		